

Wykaz osiągnięć naukowych albo artystycznych, stanowiących znaczny wkład w rozwój określonej dyscypliny

dr Katarzyna Krawczyk
ORCID: 0000-0001-9019-0490

Katedra Botaniki i Ekologii Ewolucyjnej
Wydział Biologii i Biotechnologii

Uniwersytet Warmińsko-Mazurski w Olsztynie

Olsztyn, 2026

Wykaz osiągnięć naukowych albo artystycznych, stanowiących znaczny wkład w rozwój określonej dyscypliny

I. INFORMACJA O OSIĄGNIĘCIACH NAUKOWYCH ALBO ARTYSTYCZNYCH, O KTÓRYCH MOWA W ART. 219 UST. 1. PKT 2 USTAWY

1. Cykl powiązanych tematycznie artykułów naukowych, zgodnie z art. 219 ust. 1. pkt 2b ustawy.

a. Tytuł osiągnięcia naukowego nr 1:

Systematyka i zróżnicowanie ewolucyjne ostnic (Poaceae: *Stipa*) w świetle analiz genomów plastydowych, mitochondrialnych i jądrowych

b. Publikacje wchodzące w skład osiągnięcia naukowego

Dla każdej publikacji podano Impact Factor (IF) zgodny z rokiem opublikowania, Impact Factor 5-letni (IF₅), punktację Ministerstwa Nauki i Szkolnictwa Wyższego (MNiSW/MEiN) według ujednoliconego wykazu czasopism obowiązującego w roku wydania publikacji i zgodnie z aktualnie obowiązującym wykazem czasopism (MNiSW₂₀₂₄) oraz liczbę cytowań wg bazy SCOPUS i Web of Science Core Collection: *autor korespondencyjny.

1.1 Krawczyk K.*, Nobis M., Nowak A., Szczecińska M., Sawicki J. (2017) Phylogenetic implications of nuclear rRNA IGS variation in *Stipa* L. (Poaceae). *Scientific Reports*, 7(1): 11506.

[IF=4,12; IF₅=4,45; MNiSW₂₀₁₇=40 pkt.; MNiSW₂₀₂₄=140 pkt.; liczba cytowań wg SCOPUS=32, WoS=28]

1.2 Krawczyk K.*, Nobis M., Myszczyński K., Klichowska E., Sawicki J. (2018) Plastid superbarcodes as a tool for species discrimination in feather grasses (Poaceae: *Stipa*). *Scientific Reports*, 8(1): 1924.

[IF=4,01; IF₅=4,17; MNiSW₂₀₁₈=40 pkt.; MNiSW₂₀₂₄=140 pkt.; liczba cytowań wg SCOPUS=80, WoS=77]

1.3 Krawczyk K.*, Myszczyński K., Nobis M., Sawicki J. (2022) Insights into adaptive evolution of plastomes in *Stipa* L. (Poaceae). *BMC Plant Biology*, 22(1): 1-16.

[IF=5,3; IF₅=5,1; MEiN₂₀₂₂=140 pkt.; MNiSW₂₀₂₄=140 pkt.; liczba cytowań wg SCOPUS=13, WoS=12]

1.4 Krawczyk K.*, Paukzto Ł., Maździarz M., Sawicki J. (2023) The low level of plastome differentiation observed in some lineages of Poales hinders molecular species identification. *Frontiers in Plant Science*, 14.

[IF=4,1; IF₅=4,0; MEiN₂₀₂₃=140 pkt.; MNiSW₂₀₂₄=100 pkt.; liczba cytowań wg SCOPUS=7, WoS=8]

1.5 Krawczyk K.*, Maździarz M., Paukzsto Ł., Nobis M.*, Sawicki J. (2025) Phylogenetic reconstruction and species delimitation in Stipeae with special reference to *Stipa* (Poaceae, Pooideae) using mitochondrial genomes. *Cladistics*, 1-14.

[IF=6,2; IF₅=6,2; MNiSW₂₀₂₄=140 pkt.; liczba cytowań wg SCOPUS=1, WoS=1]

Wszystkie prace, składające się na osiągnięcie naukowe nr 1, zostały opublikowane w czasopismach z bazy *Journal Citation Reports*.

Sumaryczny **Impact Factor (IF)** zgodnie z rokiem opublikowania: **23,733**.

Całkowita liczba punktów **MNiSW/MEiN** zgodnie z rokiem opublikowania: **500**.

Liczba punktów zgodnie z aktualnie obowiązującym wykazem czasopism **MNiSW z 2024 r.:** **660**.

Liczba cytowań według bazy **SCOPUS:** **133**.

Liczba cytowań według bazy **Web of Science Core Collection:** **126**.

2. Cykl powiązanych tematycznie artykułów naukowych, zgodnie z art. 219 ust. 1. pkt 2b ustawy.

a. Tytuł osiągnięcia naukowego nr 2:

Porównawcza analiza ewolucji i reorganizacji genomów organellowych rodzaju *Ribes* oraz charakterystyka transferów plastydowo-mitochondrialnych

b. Publikacje wchodzące w skład osiągnięcia naukowego

Dla każdej publikacji podano Impact Factor (IF) zgodny z rokiem opublikowania, Impact Factor 5-letni (IF₅), punktację Ministerstwa Nauki i Szkolnictwa Wyższego (MNiSW/MEiN) według ujednoliconego wykazu czasopism obowiązującego w roku wydania publikacji i zgodnie z aktualnie obowiązującym wykazem czasopism (MNiSW₂₀₂₄) oraz liczbę cytowań wg bazy SCOPUS i Web of Science Core Collection; *autor korespondencyjny.

2.1 Klubowicz K., Sawicki J., Paukzsto Ł., Ciborowski K., Maździarz M., **Krawczyk K.*** (2024) Organellar genome evolution in *Ribes* L.: hotspots of mutation, sequence transfer, codon usage, and phylogenetic context. *Tree Genetics & Genomes*, 20(6): 1-14.

[IF=1,6; IF₅=1,7; MNiSW₂₀₂₄=70 pkt.; liczba cytowań wg SCOPUS=2, WoS=2]

2.2 Maździarz M., **Krawczyk K.*** (2026) Transgenomes: automated detection and characterization of mitochondrial-plastid DNA transfers. *Journal of Plant Research* DOI: 10.1007/s10265-026-01709-0

[IF=2,7; IF₅=2,9; MNiSW₂₀₂₄=100 pkt.; liczba cytowań wg SCOPUS= 0, WoS=0]

Prace, składające się na osiągnięcie naukowe nr 2, zostały opublikowane w czasopismach z bazy *Journal Citation Reports*.

Sumaryczny **Impact Factor (IF)** zgodnie z rokiem opublikowania: **4,3**.

Całkowita liczba punktów **MNiSW** zgodnie z rokiem opublikowania: **170**.

Liczba cytowań według bazy SCOPUS: 2

Liczba cytowań według bazy Web of Science Core Collection: 2

II. WYKAZ AKTYWNOŚCI NAUKOWEJ ALBO ARTYSTYCZNEJ

I. Wykaz opublikowanych artykułów w czasopiśmie naukowych (z zaznaczeniem pozycji wymienionych w pkt. I.1.b).

Dla każdej publikacji podano Impact Factor (IF) zgodny z rokiem opublikowania, Impact Factor 5-letni (IF₅), punktację Ministerstwa Nauki i Szkolnictwa Wyższego (MNiSW/MEiN) według ujednoliconego wykazu czasopism obowiązującego w roku wydania publikacji i zgodnie z aktualnie obowiązującym wykazem czasopism (MNiSW₂₀₂₄) oraz liczbę cytowań wg bazy SCOPUS i Web of Science Core Collection; *autor korespondencyjny.

a. Przed uzyskaniem stopnia doktora, (do 18.08.2012 nazwisko rodowe: Wąsowicz)

1. Szczecińska M.*, Sawicki J., **Wąsowicz K.**, Hołdyński Cz. (2009) Genetic variation of the relict and endangered population of *Chamaedaphne calyculata* (Ericaceae) in Poland. *Dendrobiology*, 62: 23-33.
[IF=0,344; IF₅=1,2; MNiSW₂₀₀₉=6 pkt.; MNiSW₂₀₂₄=100 pkt.; liczba cytowań wg SCOPUS=12, wg WoS=12]
2. Korniak T.*, Hołdyński Cz., **Wąsowicz K.** (2009) Przemiany flory chwastów upraw wierzby w północno-wschodniej Polsce. *Pamiętnik Puławski*, 150: 159-170.
[IF-brak; MNiSW₂₀₀₉=4 pkt.; MNiSW₂₀₂₄=0 pkt.; liczba cytowani-brak.danych]
3. **Wąsowicz K.***, Szczecińska M., Sawicki J. (2010) Genetic relationships between four Polish *Lamium* species (*L. amplexicaule*, *L. incisum*, *L. moluccellifolium*, *L. purpureum*). *Čas. Slez. Muz. Opava (A)*, 59: 209-216.
[IF-brak; MNiSW₂₀₁₀=2 pkt.; MNiSW₂₀₂₄=0 pkt.; liczba cytowani-b.d.]
4. **Wąsowicz K.***, Szczecińska M., Sawicki J. (2011) The reasons for low intrapopulation genetic variation in *Lamium incisum* Willd. *Čas. Slez. Muz. Opava (A)*, 60: 79-84.
[IF-brak; MNiSW₂₀₁₁=3 pkt.; MNiSW₂₀₂₄=0 pkt. liczba cytowani-b.d.]
5. Korniak T.*, **Wąsowicz K.**, Kołodziej P. (2011) Występowanie *Heracleum sosnowskyi* Manden. wzdłuż dróg w północno-wschodniej Polsce. *Ekologia i Technika*, XIX(3A): 166-171.
[IF-brak; MNiSW₂₀₁₁=2 pkt.; MNiSW₂₀₂₄=0 pkt. liczba cytowani-b.d.]
6. Korniak T.*, Hołdyński Cz., **Wąsowicz K.**, Święczkowska J. (2012) Amerykańskie gatunki z rodzaju *Solidago* w północno-wschodniej Polsce. *Zeszyty Naukowe UP Wrocław seria Rolnictwo*, 584: 81-88.
[IF-brak; MNiSW₂₀₁₂=5 pkt.; MNiSW₂₀₂₄=0 pkt.; liczba cytowań-b.d.]
7. **Krawczyk K.***, Korniak T., Sawicki J. (2013) Taxonomic status of *Galeobdolon luteum* Huds. (Lamiaceae) from classical taxonomy and phylogenetics perspectives. *Acta Biologica Cracoviensia Series Botanica*, 55(2): 18-28.

[IF=0,662; IF₅=0,66; MNiSW₂₀₁₃=20 pkt.; MNiSW₂₀₂₄=70 pkt.; liczba cytowań wg SCOPUS=10, wg WoS=8]

8. **Krawczyk K.***, Sawicki J. (2013) The uneven rate of the molecular evolution of gene sequences of DNA-dependent RNA polymerase I of the genus *Lamium* L. *International Journal of Molecular Sciences*, 14(6): 11376-11391.

[IF=2,339; IF₅=2,5; MNiSW₂₀₁₃=30 pkt.; MNiSW₂₀₂₄=140 pkt.; liczba cytowań wg SCOPUS=19, wg WoS=17]

9. **Krawczyk K.***, Szczecińska M., Sawicki J. (2014) Evaluation of 11 single-locus and seven multi-locus DNA barcodes in *Lamium* L. (Lamiaceae). *Molecular Ecology Resources*, 14: 1-14.

[IF=3,712; IF₅=4,0; MNiSW₂₀₁₄=35 pkt.; MNiSW₂₀₂₄=140 pkt.; liczba cytowań wg SCOPUS=53, wg WoS=47]

b. Po uzyskaniu stopnia doktora

1. Szymczyk R.*, Zalewska A., Szydłowska J., **Krawczyk K.**, Kołodziej P., Stelmaszczyk M. (2014) Vascular plants of the upper part of the Grabianka river valley in the Elbląg Plateau Landscape Park. *Polish Journal of Natural Sciences*, 29(4): 337-358.

[IF=0,15; IF₅=0,14; MNiSW₂₀₁₄=8 pkt.; MNiSW₂₀₂₄=40 pkt.; liczba cytowań wg SCOPUS=,0 wg WoS=0]

2. **Krawczyk K.***, Głowacka K. (2015) Nutlet micromorphology and its taxonomic utility in *Lamium* L. (Lamiaceae). *Plant Systematics and Evolution*, 301: 1863-1874.

[IF=1,4; IF₅=1,5; MNiSW₂₀₁₅=20 pkt.; MNiSW₂₀₂₄=70 pkt.; liczba cytowań wg SCOPUS=15, wg WoS=14]

3. Kulik K.*, Abarenkov K., Buśko M., Wołosz K., van Diepeningen A.D., Ostrowska-Kołodziejczak A., **Krawczyk K.**, Brankovics B., Stenglein S., Perkowski J., Sawicki J. (2017) ToxGen: an improved reference database for the identification of type B-trichothecene genotypes in *Fusarium*. *PeerJ*, 5: e2992.

[IF=2,1; IF₅=2,4; MNiSW₂₀₁₇=35 pkt.; MNiSW₂₀₂₄=100 pkt.; liczba cytowań wg SCOPUS=11, wg WoS=12]

4. Gomolińska A.M.*, Szczecińska M., Sawicki J., **Krawczyk K.**, Szkudlarz P. (2017) Phylogenetic analysis of selected representatives of the genus *Erica* based on the genes encoding the DNA-dependent RNA polymerase I. *Biodiversity: Research and Conservation*, 46: 1-18.

[IF- brak; MNiSW₂₀₁₇=13 pkt.; MNiSW₂₀₂₄=20 pkt.; liczba cytowań-b.d.]

5. **Krawczyk K.***, Wiland-Szymańska J., Buczkowska-Chmielewska K., Drapikowska M., Maślak M., Myszczyński K., Szczecińska M., Ślipiko M., Sawicki J. (2018) The complete chloroplast genome of a rare orchid species *Liparis loeselii* (L.). *Conservation Genetic Resources*, 10: 305-308.

- [IF=1,15; IF₅=1,2; MNiSW₂₀₁₈=20 pkt.; MNiSW₂₀₂₄=40 pkt.; liczba cytowań wg SCOPUS=9, wg WoS=8]
6. Nobis M.*, Gudkova P.D., Baiakhmetov E., Żabicka J., **Krawczyk K.**, Sawicki J. (2019) Hybridisation, introgression events and cryptic speciation in *Stipa* (Poaceae): a case study of the *Stipa heptapotamica* hybrid-complex. *Perspectives in Plant Ecology, Evolution and Systematics*, 39: 125457.
[IF=2,54; IF₅=3,0; MNiSW₂₀₁₉=100 pkt.; MNiSW₂₀₂₄=100 pkt.; liczba cytowań wg SCOPUS=26, wg WoS=27]
 7. Mizia P., Myszczyński K., Ślipiko M., **Krawczyk K.**, Plášek V., Szczecińska M., Sawicki J.* (2019) Comparative plastomes analysis reveals the first infrageneric evolutionary hotspots of *Orthotrichum s.l.* (Orthotrichaceae, Bryophyta). *Turkish Journal of Botany*, 43: 444-457.
[IF=1,1; IF₅=1,1; MNiSW₂₀₁₉=40 pkt.; MNiSW₂₀₂₄=40 pkt.; liczba cytowań wg SCOPUS=10, wg WoS=10]
 8. Sawicki J.*, Bączkiewicz A., Buczkowska A., Górski P., **Krawczyk K.**, Mizia P., Myszczyński K., Ślipiko M., Szczecińska M. (2020) The increase of simple sequence repeats during diversification of Marchantiales, an early land plant lineage, leads to the first known expansion of inverted repeats in the evolutionarily-stable structure of liverwort plastomes. *Genes*, 11: 299.
[IF=4,1; IF₅=4,3; MNiSW₂₀₂₀=100 pkt.; MNiSW₂₀₂₄=100 pkt.; liczba cytowań wg SCOPUS=16, wg WoS=16]
 9. Sawicki J.*, **Krawczyk K.**, Ślipiko M., Szandar K., Szczecińska M. (2021) Comparative analysis of *Apopellia endiviifolia* plastomes reveals a strikingly high level of differentiation between its terrestrial and water form. *Diversity*, 13: 674.
[IF=3,0; IF₅=3,1; MEiN₂₀₂₁=70 pkt.; MNiSW₂₀₂₄=70 pkt.; liczba cytowań wg SCOPUS=8, wg WoS=9]
 10. Sawicki J.*, **Krawczyk K.**, Ślipiko M., Szczecińska M. (2021) Sequencing of organellar genomes of *Nowellia curvifolia* (Cephaloziaceae Jungermanniales) revealed the smallest plastome with complete gene set and high intraspecific variation suggesting cryptic speciation. *Diversity*, 13(2): 81.
[IF=3,0; IF₅=3,1; MEiN₂₀₂₁=70 pkt.; MNiSW₂₀₂₄=70 pkt.; liczba cytowań wg SCOPUS=5, wg WoS=5]
 11. Ciborowski K., Skierkowski B., Żukowska K., **Krawczyk K.**, Sawicki J.* (2022) Nanopore sequencing of chloroplast genome of *Scapania undulata* (L.) Dumort., 1835 (Scapaniaceae, Jungermanniales). *Mitochondrial DNA Part B*, 7(8): 1424-1426.
[IF=0,5; IF₅=0,5; MEiN₂₀₂₂=20 pkt.; MNiSW₂₀₂₄=20 pkt.; liczba cytowań wg SCOPUS=5, wg WoS=4]
 12. Szandar K.*, **Krawczyk K.**, Myszczyński K., Ślipiko M., Sawicki J., Szczecińska M. (2022) Breaking the limits—multichromosomal structure of an early eudicot *Pulsatilla patens*

mitogenome reveals extensive RNA-editing, longest repeats, and chloroplast-derived regions among sequenced land plant mitogenomes. *BMC Plant Biology*, 22(1): 1-15.

[IF=5,3; IF₅=5,3; MEiN₂₀₂₂=140 pkt.; MNiSW₂₀₂₄=140 pkt.; liczba cytowań wg SCOPUS=21, wg WoS=23]

13. Sawicki J.*, **Krawczyk K.**, Kurzyński M., Maździarz M., Paukšto Ł., Sulima P., Szczecińska M. (2023) Nanopore sequencing of organellar genomes revealed heteroplasmy in simple thalloid and leafy liverworts. *Acta Societatis Botanicorum Poloniae*, 92(1).

[IF=1,1; IF₅=1,0; MEiN₂₀₂₃=140 pkt.; MNiSW₂₀₂₄=70 pkt.; liczba cytowań wg SCOPUS=12, wg WoS=14]

14. Paukšto Ł.*, Górski P., **Krawczyk K.**, Maździarz M., Szczecińska M., Ślipiko M., Sawicki J. (2023) The organellar genomes of Pellidae (Marchantiophyta): the evidence of cryptic speciation, conflicting phylogenies and extraordinary reduction of mitogenomes in simple thalloid liverwort lineage. *Scientific Reports*, 13(1): 8303.

[IF=3,8; IF₅=4,0; MEiN₂₀₂₃=140 pkt.; MNiSW₂₀₂₄=140 pkt.; liczba cytowań wg SCOPUS=12, wg WoS=13]

15. Szandar K., Sawicki J.*, Paukšto Ł., **Krawczyk K.**, Szczecińska M. (2023) Are the organellar genomes useful for fine scale population structure analysis of endangered plants? A case study of *Pulsatilla patens* (L.) Mill. *Genes*, 14(1): 67.

[IF=2,8; IF₅=3,9; MEiN₂₀₂₃=100 pkt.; MNiSW₂₀₂₄=100 pkt.; liczba cytowań wg SCOPUS=4, wg WoS=3]

16. Rolbiecki D., Paukšto Ł., **Krawczyk K.**, Korzeniewska E., Sawicki J., Harnisz M.* (2023) Chlorine disinfection modifies the microbiome, resistome and mobilome of hospital wastewater – a nanopore long-read metagenomic approach. *Journal of Hazardous Materials*, 459: 132298.

[IF=12,2; IF₅=12,4; MEiN₂₀₂₃=200 pkt.; MNiSW₂₀₂₄=200 pkt.; liczba cytowań wg SCOPUS=20, wg WoS=16]

17. Majewska M.*, Maździarz M., **Krawczyk K.**, Paukšto Ł., Makowczenko K.G., Lepiarczyk E., Gromadziński L. (2024) SARS-CoV-2 disrupts host gene networks: Unveiling key hub genes as potential therapeutic targets for COVID-19 management. *Computers in Biology and Medicine*, 183, 109343.

[IF=6,3; IF₅=6,5; MNiSW₂₀₂₄=100 pkt.; liczba cytowań wg SCOPUS=3, wg WoS=0]

18. Maździarz M., **Krawczyk K.**, Kurzyński M., Paukšto Ł., Szablińska-Piernik J., Szczecińska M., Sawicki J.* (2024) Epitranscriptome insights into *Riccia fluitans* L. (Marchantiophyta) aquatic transition using nanopore direct RNA sequencing. *BMC Plant Biology*, 24(1): 399.

[IF=4,8; IF₅=5,4; MNiSW₂₀₂₄=140 pkt.; liczba cytowań wg SCOPUS=4, wg WoS=4]

19. Sawicki J.*, **Krawczyk K.**, Pauksto Ł., Maździarz M., Kurzyński M., Szablińska-Piernik J., Szczecińska M. (2024) Nanopore sequencing technology as an emerging tool for diversity studies of plant organellar genomes. *Diversity*, 16(3): 173.
[IF=2,1; IF₅=2,3; MNiSW₂₀₂₄=70 pkt.; liczba cytowań wg SCOPUS=8, wg WoS=7]
20. Rolbiecki D., Pauksto Ł., **Krawczyk K.**, Korzeniewska E., Sawicki J., Harnisz M.* (2024) Genomic and metagenomic analysis reveals shared resistance genes and mobile genetic elements in *E. coli* and *Klebsiella* spp. isolated from hospital patients and hospital wastewater at intra-and inter-genus level. *International Journal of Hygiene and Environmental Health*, 261: 114423.
[IF=4,4; IF₅=4,9; MNiSW₂₀₂₄=140 pkt.; liczba cytowań wg SCOPUS=7, wg WoS=4]
21. Levins J., Pauksto Ł., **Krawczyk K.**, Maździarz M., Arch B.C., Cargill D.C., Bowman J.L.* (2025) Evolution of sexual systems and regressive evolution in *Riccia*. *New Phytologist*, 246(2): 769-784.
[IF=8,1; IF₅=10,3; MNiSW₂₀₂₄=140 pkt.; liczba cytowań wg SCOPUS=6, wg WoS=6]
22. Kulik T.*, Staniszewska P., Wiśniewski P., Treder Z., Przybylski M., Wrońska E., Maździarz M., **Krawczyk K.**, Bilska K., Pauksto Ł., Olszewski J. (2025) In-depth comparison of commercial Trichoderma-based products: integrative approaches to quantitative analysis, taxonomy and efficacy. *Frontiers in Microbiology*, 16.
[IF=4,5; IF₅=5,2; MNiSW₂₀₂₄=100 pkt.; liczba cytowań wg SCOPUS=5, wg WoS=5]
23. Wiśniewski P., Maździarz M., Sawicki J., & **Krawczyk K.*** (2025). Taxonomic and functional differentiation of soil and thallus microbiomes in *Riccia sorocarpa*. *Biologia*, 1-12.
[IF=1,6; IF₅=1,6; MNiSW₂₀₂₄=40 pkt.; liczba cytowań wg SCOPUS=0, wg WoS=0]
24. **Krawczyk K.***, Szablińska-Piernik J.*, Pauksto Ł., Maździarz M., Sulima P., Przyborowski J.A., Szczecińska M., Sawicki J. (2025) Chromosome-scale telomere to telomere genome assembly of common crystalwort (*Riccia sorocarpa* Bisch.). *Scientific Data*, 12: 77.
[IF=6,9; IF₅=6,9; MNiSW₂₀₂₄=140 pkt.; liczba cytowań wg SCOPUS=5, WoS=6]
25. Maździarz M.*, **Krawczyk K.**, Szablińska-Piernik J., Pauksto Ł., Szczecińska M., Sulima P. & Sawicki J. (2025). Epitranscriptomic and expression profiling in *Riccia fluitans* across diverse environmental conditions. *Computational and Structural Biotechnology Journal*, 27: 4232-4245.
[IF=4,1; IF₅=5,2; MNiSW₂₀₂₄=100 pkt.; liczba cytowań wg SCOPUS=1, wg WoS=1]
26. Maździarz M., Krawczyk K., Lepiarczyk E., Pauksto Ł., Makowczenko K., Moczulska B., Iwanowicz P., Kocbach P., Nosek K., Sawicki J., Gromadziński L. & Majewska M. (2025) Poly(A) tail dynamics, non-adenine incorporation and alternative polyadenylation shape the host transcriptome in COVID-19 pathogenesis. *Scientific Reports* 15: 37986.
[IF=3,9; IF₅=4,3; MNiSW₂₀₂₄=140 pkt.; liczba cytowań wg SCOPUS=0, wg WoS=0]

27. Maździarz M., Krawczyk K., Lepiarczyk E., Pauksto Ł., Sawicki J., & Majewska M. (2026). Epitranscriptomic signatures of m5C, m6A, and pseudouridine in COVID-19 reveal host RNA modifications involved in viral pathogenesis. *Microbiology Spectrum*, e02561-25.
[IF=3,8; IF₅=4,7; MNiSW₂₀₂₄=100 pkt.; liczba cytowań wg SCOPUS=0, wg WoS=0]
28. Maździarz M., Krawczyk K., Sulima P. & Sawicki J. (2026) 6 mA methylation differences in *Riccia fluitans* organellar genomes under flood stress. *Plant Cell Reports* 45: 90.
[IF=4,5; IF₅=6,1; MNiSW₂₀₂₄=100 pkt.; liczba cytowań wg SCOPUS=0, wg WoS=0]

W tym prace stanowiące osiągnięcie habilitacyjne:

29. **Krawczyk K.***, Nobis M., Nowak A., Szczecińska M., Sawicki J. (2017) Phylogenetic implications of nuclear rRNA IGS variation in *Stipa* L. (Poaceae). *Scientific Reports*, 7(1): 11506.
[IF=4,12; IF₅=4,45; MNiSW₂₀₁₇=40 pkt.; MNiSW₂₀₂₄=140 pkt.; liczba cytowań wg SCOPUS=32, WoS=28]
30. **Krawczyk K.***, Nobis M., Myszczyński K., Klichowska E., Sawicki J. (2018) Plastid superbarcodes as a tool for species discrimination in feather grasses (Poaceae: *Stipa*). *Scientific Reports*, 8(1): 1924.
[IF=4,0; IF₅=4,2 ; MNiSW₂₀₁₈=40 pkt.; MNiSW₂₀₂₄=140 pkt.; liczba cytowań wg SCOPUS=80, WoS=77]
31. **Krawczyk K.***, Myszczyński K., Nobis M., Sawicki J. (2022) Insights into adaptive evolution of plastomes in *Stipa* L. (Poaceae). *BMC Plant Biology*, 22(1): 1-16.
[IF=5,3; IF₅=5,1; MEiN₂₀₂₂=140 pkt.; MNiSW₂₀₂₄=140 pkt.; liczba cytowań wg SCOPUS=13, WoS=12]
32. **Krawczyk K.***, Pauksto Ł., Maździarz M., Sawicki J. (2023) The low level of plastome differentiation observed in some lineages of Poales hinders molecular species identification. *Frontiers in Plant Science*, 14.
[IF=4,1; IF₅=4,0; MEiN₂₀₂₃=140 pkt.; MNiSW₂₀₂₄=100 pkt.; liczba cytowań wg SCOPUS=7, WoS=8]
33. **Krawczyk K.***, Maździarz M., Pauksto Ł., Nobis M.*, Sawicki J. (2025) Phylogenetic reconstruction and species delimitation in Stipeae with special reference to *Stipa* (Poaceae, Pooideae) using mitochondrial genomes. *Cladistics*, 1-14.
[IF=6,2; IF₅=6,2; MNiSW₂₀₂₄=140 pkt.; liczba cytowań wg SCOPUS=1, WoS=1]
34. Klubowicz K., Sawicki J., Pauksto Ł., Ciborowski K., Maździarz M., **Krawczyk K.*** (2024) Organellar genome evolution in *Ribes* L.: hotspots of mutation, sequence transfer, codon usage, and phylogenetic context. *Tree Genetics & Genomes*, 20(6): 1-14.
[IF=1,6; IF₅=1,7; MNiSW₂₀₂₄=70 pkt.; liczba cytowań wg SCOPUS=2, WoS=2]

35. Maździarz M, **Krawczyk K.*** (2026) Transgenomes: Automated detection and characterization of mitochondrial-plastid DNA transfers. Journal of Plant Research DOI: 10.1007/s10265-026-01709-0.

[IF=2,7; IF₅=2,9; MNiSW₂₀₂₄=100 pkt.; liczba cytowań wg SCOPUS=0, WoS=0]

2. Współautorstwo monografii naukowych

a. Przed uzyskaniem stopnia doktora, (do 2012 r. nazwisko rodowe: Wąsowicz)

1. Hołdyński Cz., **Wąsowicz K.** 2010. Borealna świerczyna bagienna. [W:] Hołdyński Cz., Krupa J. (red.). Siedliska i gatunki Natura 2000. Raport z inwentaryzacji przyrodniczej przeprowadzonej w lasach regionalnej Dyrekcji Lasów Państwowych w Olsztynie i części Regionalnej Dyrekcji Lasów Państwowych w Białymstoku w latach 2006-2008. Wydaw. MANTIS, Olsztyn, s. 54-58. ISBN 978-83-929997-4-4
2. Hołdyński Cz., **Wąsowicz K.** 2010. Świetlista dąbrowa. [W:] Hołdyński Cz., Krupa J. (red.). Siedliska i gatunki Natura 2000. Raport z inwentaryzacji przyrodniczej przeprowadzonej w lasach regionalnej Dyrekcji Lasów Państwowych w Olsztynie i części Regionalnej Dyrekcji Lasów Państwowych w Białymstoku w latach 2006-2008. Wydaw. MANTIS, Olsztyn, s. 84-87. ISBN 978-83-929997-4-4
3. Hołdyński Cz., Kołodziej P., **Wąsowicz K.** 2009. Niecka Skaliska. [W:] Hołdyński Cz., Krupa M. (red.). Obszary Natura 2000 w województwie warmińsko-mazurskim. Wydaw. MANTIS, Olsztyn, s. 192-195. ISBN 978-83-929997-2-0
[MNiSW=3]
4. Jutrzenka-Trzebiatowski A., Hołdyński Cz. (red.) Dynowski P., Dziezic J., Hołdyński Cz., Jutrzenka-Trzebiatowski A., Kołodziej P., Korniak T., Loro P., Pisarek W., Szarejko T., **Wąsowicz K.** 2007. Rośliny naczyniowe Parku Krajobrazowego Wzgórz Dylewskich. UWM w Olsztynie, Olsztyn, 159 s. ISBN 978-83-926486-4-2
5. Fenyk M. A., Korniak T. (red.) Kuszewska K., Środa M., Kucewicz M., **Krawczyk K.**, Kołodziej P. Rozpoznawanie roślin na potrzeby waloryzacji przyrodniczych. Podręcznik metodyczny. Olsztyn 2013.

1. Wykaz wystąpień na krajowych lub międzynarodowych konferencjach naukowych lub artystycznych, z wyszczególnieniem przedstawionych wykładów na zaproszenie i wykładów plenarnych.

a. Przed uzyskaniem stopnia doktora, (do 2012 r. nazwisko rodowe: Wąsowicz)

1. Szymczyk R., Dzieciol A., **Wąsowicz K.** 2007. Uwagi o porostach Narwi w okolicach Nowego Dworu Mazowieckiego. Materiały Międzynarodowego Seminarium Kół Naukowych, Olsztyn 10-11 maja 2007: 92-93.

2. Kołodziej P., **Wąsowicz K.**, Wojtaszek A., Brzeska M., Liberacka M. 2007. Flora ruderalna Widryn (Pojezierze Mrągowskie). Materiały Międzynarodowego Seminarium Kół Naukowych, Olsztyn 10-11 maja 2007: 99-100.
3. Kołodziej P., **Wąsowicz K.**, Wojtaszek A., Brzeska M., Liberacka M. 2007. Flora ruderalna Widryn (Pojezierze Mrągowskie). Materiały Międzynarodowego Seminarium Kół Naukowych, Olsztyn 10-11 maja 2007: 99-100.
4. Kołodziej P., **Wąsowicz K.**, Wojtaszek A., Brzeska M., Liberacka M. 2007. Flora ruderalna Widryn (Pojezierze Mrągowskie). Materiały Międzynarodowego Seminarium Kół Naukowych, Olsztyn 10-11 maja 2007: 99-100.
5. **Wąsowicz K.**, Dzieciół A., Wojtaszek A., Kołodziej P., Szymczyk R. 2007. Inwentaryzacja stanowisk roślin inwazyjnych w północnej części Wigierskiego Parku Narodowego. Materiały XI Ogólnopolskiego Przeglądu Działalności Studenckich Kół Naukowych Przyrodników, Białystok 16-18.11.2007r., Uniwersytet w Białymstoku
6. **Wąsowicz K.**, Dzieciół A., Wojtaszek A., Kołodziej P., 2008. Rośliny inwazyjne w północnej części Wigierskiego Parku Narodowego. Materiały XXXVII Międzynarodowego Seminarium Kół Naukowych, Olsztyn, 9-10 maja 2008: 102-103
7. Korniak T., **Wąsowicz K.**, Kołodziej P. 2010. Referat: „Występowanie *Heracleum sosnowskyi* Manden. wzdłuż dróg w północno-wschodniej Polsce”. XXXIV Krajowa Konferencja Naukowa z cyklu „Rejonizacja chwastów segetalnych w Polsce”. Bydgoszcz-Fordon 2-3 września 2010 r.
8. Hołdyński Cz., Kołodziej P., **Wąsowicz K.** 2010. Referat: „Struktura biologiczna i przestrzenna populacji *Agrimonia pilosa* Ledeb. wzdłuż szlaków komunikacyjnych”. XXXIV Krajowa Konferencja Naukowa z cyklu „Rejonizacja chwastów segetalnych w Polsce”. Bydgoszcz-Fordon 2-3 września 2010 r.
9. Korniak T., **Wąsowicz K.**, Hołdyński Cz., Święczkowska J. „Rodzaj *Solidago* w północno-wschodniej Polsce”. XXXV Krajowa Konferencja Naukowa z cyklu „Rejonizacja chwastów segetalnych” pt. „Biologia i występowanie *Solidago* sp. w zbiorowiskach roślinnych na odłogach” 6-8 września 2011 Wrocław-Winna Góra
10. Szczecińska M., Sawicki J., **Wąsowicz K.**, Milewicz M., Hołdyński Cz., 2012. Population structure and genetic diversity of *Pulsatilla patens* in Poland. International Conference Molecular Ecology, Vienna, Austria 4-7 February 2012
11. Sawicki J., Szczecińska M., Pisarek W., Milewicz M., **Wąsowicz K.** 2012. Haplotype Variation in the European Populations of *Galium trifidum* (*Rubiaceae*). International Conference Molecular Ecology, Vienna, Austria 4-7 February 2012
12. **Wąsowicz K.**, Milewicz M., Szczecińska M., Sawicki J., Szkudlarz P. 2012. Phylogenetic relationships within the African representatives of the genus *Erica* (*Ericaceae*). International Conference Molecular Ecology, Vienna, Austria 4-7 February 2012
13. **Krawczyk K.**, Sawicki J. 2013. Ocena informatywności filogenetycznej genów *rpo* na przykładzie rodzaju *Lamium* L. 56. Zjazd Polskiego Towarzystwa Botanicznego Olsztyn, 24-30 czerwca 2013

b. Po uzyskaniu stopnia doktora

14. **Krawczyk K.**, Sawicki J., Pauksto Ł. Czy niski poziom zróżnicowania plastomów obserwowany w obrębie rodzaju ostnica (*Stipa* L.) jest regułą czy wyjątkiem u Poales? 59. Zjazd Polskiego Towarzystwa Botanicznego, Warszawa, 26.06. - 03.07. 2022 – **referat**.
15. **Krawczyk K.**, Pauksto Ł., Sawicki J. Long-read nanopore sequencing to determine the nuclear genome of amphibious liverwort *Riccia fluitans* (Ricciaceae). London Calling 17-19.05.2023 – **poster**.
16. Harnisz M., Rolbiecki D., Pauksto Ł., Krawczyk K., Korzeniewska E., Sawicki J. Structure of bacterial community in hospital wastewater. Innovative Food of High Quality for Human Health and Sustainability. Uniwersytet Warmińsko-Mazurski w Olsztynie, 7-8.09.2023 – **poster**.
17. **Krawczyk K.** On the molecular evolution of feather grasses (*Stipa* L., Stipeae; Poaceae) - why defining a good genetic marker for this group is such a challenge? 10th Polish evolutionary conference 11-13.09.2024 Białystok – **referat**.

4. Wykaz uczestnictwa w pracach zespołów badawczych realizujących projekty finansowane w drodze konkursów krajowych lub zagranicznych, z podziałem na projekty zrealizowane i będące w toku realizacji, oraz z uwzględnieniem informacji o pełnionej funkcji w ramach prac zespołów.

4.1 Kierowane projekty

1. „Filogeneza rodzaju *Lamium* L.” – projekt finansowany przez Narodowe Centrum Nauki PRELUDIUM 2011/01/N/NZ8/02208. Realizacja w latach 2011-2013. Projekt realizowany na Uniwersytecie Warmińsko-Mazurskim w Olsztynie.

4.2 Udział w projektach realizowanych przez jednostki inne niż UWM w Olsztynie

1. „Taksonomia i mikroewolucja ostnic (Poaceae: *Stipa*)” – projekt nr 2013/09/B/NZ8/03287 finansowany przez Narodowe Centrum Nauki. Kierownik projektu: prof. dr hab. Marcin Nobis, **Uniwersytet Jagielloński**.

2. „Ewolucja i przestrzenne zróżnicowanie genetyczne ostnic biomu stepowego Środkowo-Zachodniej Azji w odniesieniu do czwartorzędowych oscylacji klimatycznych” – projekt nr 2023/51/B/NZ8/01179, finansowany przez Narodowe Centrum Nauki. Kierownik projektu: prof. dr hab. Marcin Nobis, **Uniwersytet Jagielloński**.

4.3 Udział w projektach realizowanych przez UWM w Olsztynie

1. „Rola procesów epigenetycznych w adaptacji do środowiska lądowego wczesnych roślin lądowych” – projekt nr 2020/39/B/NZ8/02504, finansowany przez Narodowe Centrum Nauki. Kierownik projektu: prof. dr hab. Jakub Sawicki.

2. „Antybiotyki rezerwowe oraz krytyczne patogeny priorytetowe w ściekach szpitalnych jako wskaźnik zagrożenia sanitarno-epidemiologicznego” – projekt nr 2022/45/B/NZ7/00793, finansowany przez Narodowe Centrum Nauki. Kierownik projektu: prof. dr hab. inż. Ewa Korzeniewska.

3. „Alternatywny splicing jako mechanizm adaptacyjny u wczesnych roślin lądowych” – projekt nr 2023/07/X/NZ8/01263, finansowany przez Narodowe Centrum Nauki. Kierownik projektu: dr Łukasz Pauksto.

5. Wykaz członkostwa w międzynarodowych lub krajowych organizacjach i towarzystwach naukowych wraz z informacją o pełnionych funkcjach.

1. Członkostwo w Polskim Towarzystwie Botanicznym w latach 2016-2025 – członek Sekcji Taksonomii Roślin i Sekcji Geobotaniki. W latach 2019-2022 skarbnik, w latach 2022-2025 sekretarz Olsztyńskiego Oddziału PTB.

2. Członkostwo w The American Society of Plant Taxonomists w latach 2020-2023.

6. Wykaz staży w instytucjach naukowych lub artystycznych, w tym zagranicznych, z podaniem miejsca, terminu, czasu trwania stażu i jego charakteru.

1. Staż naukowy w zespole badawczym prof. dr hab. Marcina Nobisa, Instytut Botaniki, Uniwersytet Jagielloński, Kraków, Polska – 18–30 września 2023 r.

2. Staż naukowy w zespole badawczym dr Sanny Huttunen, Laboratory of Genetics, Department of Biology, University of Turku, Finlandia – 16–29 maja 2011 r.

3. Staż naukowy w Laboratorium Genetyki, Katedra Taksonomii Roślin i Ochrony Przyrody, Uniwersytet Gdański, Polska – 6–18 września 2010 r.

7. Wykaz członkostwa w komitetach redakcyjnych i radach naukowych czasopism wraz z informacją o pełnionych funkcjach (np. redaktora naczelnego, przewodniczącego rady naukowej, itp.).

Kadencja 2023-2025 i 2026-2028 Redaktor czasopisma *Acta Societatis Botanicorum Poloniae* w sekcji Taxonomy and Phylogenetics.

8. Wykaz recenzowanych prac naukowych lub artystycznych, w szczególności publikowanych w czasopismach międzynarodowych.

W latach 2016-2025 wykonałam 27 recenzji manuskryptów na zaproszenie redakcji czasopism o zasięgu międzynarodowym:

- **2016** – “An assessment of plant DNA barcodes for identifying Lamiaceae in Korea” – **Journal of Plant Research**
- **2017** – “Potential DNA barcodes for *Melilotus* species based on five single loci and their combinations” – **PLOS One**
- **2019** – “The complete chloroplast genome of *Dendrobium nobile*, an endangered medicinal orchid from Northeast India and its comparison with related chloroplast genomes of *Dendrobium* species” – **PeerJ**

- **2019** – “Testing and using complete plastomes and ribosomal DNA sequences as the next generation DNA barcodes in *Panax* (Araliaceae)” – **Molecular Ecology Resources**
- **2019** – Genomic DNA barcodes provide novel insights into species delimitation in the complex *Camellia* sect. *Thea* (Theaceae) – **BMC Plant Biology**
- **2020** – “Phylogenetic and Comparative Analyses of Complete Chloroplast Genomes of Chinese *Viburnum* and *Sambucus* (Adoxaceae)” – **Plants**
- **2020** – “Molecular barcode and morphological analysis of the medicinal plant *Smilax purhampuy* Ruiz collected in Ecuador” – **PeerJ**
- **2021** – “Testing genome skimming for species discrimination in the large and taxonomically difficult genus *Rhododendron*” – **Molecular Ecology Resources**
- **2021** – “Comparative chloroplast genome analysis of wax gourd (*Benincasa hispida*) with three Benincaseae species, revealing evolutionary dynamic patterns and phylogenetic implications” – **Genes**
- **2022** – “Comparative analysis and phylogenetic relationships of *Ceriops* species (Rhizophoraceae) and *Avicennia lanata* (Acanthaceae): insight into the chloroplast genome evolution between middle and seaward zones of mangrove forests” – **Biology**
- **2022** – “DNA barcoding of *Cymbidium* by genome skimming: call for next-generation nuclear barcodes” – **Molecular Ecology Resources**
- **2022** – “Identification of *Laportea bulbifera* using the Complete Chloroplast Genome as a SuperBarcode” – **Journal of Applied Genetics**
- **2022** – “CcMYB12 positively regulated flavonoid accumulation during fruit development in *Carya cathayensis* as well as their roles in abiotic stress responses” – **International Journal of Molecular Sciences**
- **2023** – “Plastid Genome Assembly Using Long-read data (ptGAUL)” – **Molecular Ecology Resources**
- **2023** – “The First Complete Chloroplast Genome of *Cordia monoica*: Structure and Comparative Analysis” – **Genes**
- **2023** – Towards the investigation of the adaptive divergence in a species of exceptional ecological plasticity: chromosome-scale genome assembly of *Chouardia litardierei* (Hyacinthaceae) – **International Journal of Molecular Sciences**
- **2023** – Comparative and Phylogenetic Analysis of Complete Chloroplast Genome Sequences of *Salvia* Regarding its Worldwide Distribution” – **Scientific Reports**
- **2023** – “Codon Usage Bias in Chloroplast Genes Implicate Adaptive Evolution of Four Ginger Species” – **International Journal of Molecular Sciences**
- **2023** – “Accelerating moss identification through development of specific DNA barcodes based on the whole chloroplast genome” – **Molecular Ecology Resources**
- **2023** – “Potato microbiome: relationship with environment factors and approaches for microbiome modulation” – **International Journal of Molecular Sciences**
- **2024** – “Opening new doors for plant species identification” – **Molecular Ecology Resources**
- **2024** – “Two asymmetric IR regions in the chloroplast genome of the *Huperzia* genus are driven by the transfer of information between the chloroplast and nuclear genomes” – **BMC Plant Biology**

- 2024 – "The complete chloroplast genome sequences of three *Pedicularis* species (Orobanchaceae)" – **Genetics and Molecular Biology**
- 2024 – "Species discrimination in *Pedicularis* (Orobanchaceae) based on the chloroplast genome" – **Molecular Ecology Resources**
- 2024 – "The genome sequence of barren brome, *Bromus sterilis* L. (Poaceae)" – **Scientific Data**
- 2025 – "Complete chloroplast genome of two *Brachycorythis* (Orchidaceae) species from China: comparative analysis and phylogenetic implications" – **BMC Genomics**
- 2025 – "Genomic DNA barcodes provide novel insights into species delimitation in the complex *Camellia* sect. *Thea* (Theaceae)" – **BMC Plant Biology**

III. DANE NAUKOMETRYCZNE

Podane na dzień 20.04.2026 r.

Indeks Hirscha zgodnie z bazą SCOPUS: 12

Indeks Hirscha zgodnie z bazą Web of Science: 12

	Łączna liczba prac	Łączna wartość IF	Łączna wartość IF ₅	Łączna wartość punktacji MNiSW/MEiN z roku wydania	Łączna wartość punktacji MNiSW 2024
Przed uzyskaniem stopnia doktora					
artykuł naukowy z IF	4	6,96	8,36	91	450
artykuł naukowy bez IF	5	-	-	14	0
rozdział (fragment) w monografii naukowej	5	-	-	3	0
Ogółem	14	6,96	8,36	108	450
Po uzyskaniu stopnia doktora					
artykuł naukowy z IF	34	131,74	158,43	2473	3440
artykuł naukowy bez IF	1	-	-	13	20
rozdział (fragment) w monografii naukowej	0	-	-	0	0
Ogółem	35	131,74	158,43	2486	3460
Ogółem	49	138,70	166,79	2594	3910

	Łączna liczba prac z IF	Łączna liczba cytowań SCOPUS	Łączna liczba cytowań WoS
Przed uzyskaniem stopnia doktora	4	94	84
Po uzyskaniu stopnia doktora	34	348	347
Ogółem	38	442	431

Katarzyna Krawczyk
.....
(podpis wnioskodawcy)

**List of scientific or artistic achievements constituting a significant
contribution to the development of a specific discipline**

Dr. Katarzyna Krawczyk
ORCID: 0000-0001-9019-0490

Department of Botany and Evolutionary Ecology
Faculty of Biology and Biotechnology

University of Warmia and Mazury in Olsztyn

Olsztyn, 2026

List of scientific or artistic achievements constituting a significant contribution to the development of a specific discipline

I. LIST OF SCIENTIFIC OR ARTISTIC ACHIEVEMENTS, REFERRED TO IN ARTICLE 219, SECTION 1. POINT 2 OF THE ACT

1. A cycle of thematically related scientific articles, in accordance with Article 219, Section 1. Point 2b of the Act

a. Title of Scientific Achievement No. 1:

Systematics and evolutionary diversification of feather grasses (Poaceae: *Stipa*) in the light of analyses of plastid, mitochondrial and nuclear genomes

b. Publications included in the scientific achievement

For each publication, the Impact Factor (IF) is provided, consistent with the year of publication, the 5-year Impact Factor (IF₅), the score of the Ministry of Science and Higher Education (MNiSW/MEiN) according to the unified list of journals in force in the year of publication and in accordance with the currently applicable list of journals (MNiSW024) and the number of citations according to the SCOPUS and Web of Science Core Collection databases; *corresponding author.

1.1 Krawczyk K.*, Nobis M., Nowak A., Szczecińska M., Sawicki J. (2017) Phylogenetic implications of nuclear rRNA IGS variation in *Stipa* L. (Poaceae). *Scientific Reports*, 7(1): 11506.

[IF=4,12; IF₅=4,45; MNiSW₂₀₁₇=40; MNiSW₂₀₂₄=140; number of citations by SCOPUS=32, WoS=28]

1.2 Krawczyk K.*, Nobis M., Myszczyński K., Klichowska E., Sawicki J. (2018) Plastid superbarcodes as a tool for species discrimination in feather grasses (Poaceae: *Stipa*). *Scientific Reports*, 8(1): 1924.

[IF=4,01; IF₅=4,17; MNiSW₂₀₁₈=40; MNiSW₂₀₂₄=140; number of citations by SCOPUS=80, WoS=77]

1.3 Krawczyk K.*, Myszczyński K., Nobis M., Sawicki J. (2022) Insights into adaptive evolution of plastomes in *Stipa* L. (Poaceae). *BMC Plant Biology*, 22(1): 1-16.

[IF=5,3; IF₅=5,1; MEiN₂₀₂₂=140; MNiSW₂₀₂₄=140.; number of citations by SCOPUS=13, WoS=12]

1.4 Krawczyk K.*, Pauksto Ł., Maździarz M., Sawicki J. (2023) The low level of plastome differentiation observed in some lineages of Poales hinders molecular species identification. *Frontiers in Plant Science*, 14.

[IF=4,1; IF₅=4,0; MEiN₂₀₂₃=140; MNiSW₂₀₂₄=100; number of citations by SCOPUS=7, WoS=8]

1.5 Krawczyk K.*, Maździarz M., Paukzto Ł., Nobis M.*, Sawicki J. (2025) Phylogenetic reconstruction and species delimitation in Stipeae with special reference to *Stipa* (Poaceae, Pooideae) using mitochondrial genomes. *Cladistics*, 1-14.

[IF=6,2; IF₅=6,2; MNiSW₂₀₂₄=140; number of citations by SCOPUS=1, WoS=1]

All papers constituting scientific achievement no. 1 were published in journals from the *Journal Citation Reports* database.

Cumulative **Impact Factor (IF)** by year of publication: **23,733**.

Total points **MNiSW/MEiN** by year of publication: **500**.

Number of points according to the currently valid list of journals **MNiSW z 2024**: **660**.

Number of citations by **SCOPUS**: **133**.

Number of citations by **Web of Science Core Collection**: **126**.

2. A cycle of thematically related scientific articles, in accordance with Article 219, Section 1, Point 2b of the Act.

a. Title of Scientific Achievement No. 2:

Comparative analysis of the evolution and reorganization of organelle genomes of the genus *Ribes* and characterization of plastid-mitochondrial transfers

b. Publications included in the scientific achievement

For each publication, the Impact Factor (IF) is provided, consistent with the year of publication, the 5-year Impact Factor (IF₅), the score of the Ministry of Science and Higher Education (MNiSW/MEiN) according to the unified list of journals in force in the year of publication and in accordance with the currently applicable list of journals (MNiSW024) and the number of citations according to the SCOPUS and Web of Science Core Collection databases; *corresponding author.

2.1 Klubowicz K., Sawicki J., Paukzto Ł., Ciborowski K., Maździarz M., **Krawczyk K.*** (2024) Organellar genome evolution in *Ribes* L.: hotspots of mutation, sequence transfer, codon usage, and phylogenetic context. *Tree Genetics & Genomes*, 20(6): 1-14.

[IF=1,6; IF₅=1,7; MNiSW₂₀₂₄=70; number of citations by SCOPUS=2, WoS=2]

2.2 Maździarz M., **Krawczyk K.*** (2026) Transgenomes: automated detection and characterization of mitochondrial-plastid DNA transfers. *Journal of Plant Research* DOI: 10.1007/s10265-026-01709-0.

[IF=2,7; IF₅=2,9; MNiSW₂₀₂₄=100; number of citations by SCOPUS= 0, WoS=0]

All papers constituting scientific achievement no. 2 were published in journals from the *Journal Citation Reports* database.

Cumulative **Impact Factor (IF)** by year of publication: **4,3**.

Total points **MNiSW/MEiN** by year of publication: **170**.

Number of citations by **SCOPUS: 2**

Number of citations by **Web of Science Core Collection: 2**

II. SCIENTIFIC OR ARTISTIC ACHIEVEMENTS

List of published articles in scientific journals (with the items listed in point I.1.b)

For each publication, the Impact Factor (IF) is provided, consistent with the year of publication, the 5-year Impact Factor (IF5), the score of the Ministry of Science and Higher Education (MNiSW/MEiN) according to the unified list of journals in force in the year of publication and in accordance with the currently applicable list of journals (MNiSW024) and the number of citations according to the SCOPUS and Web of Science Core Collection databases; *corresponding author.

a. Before obtaining the doctoral degree, (until August, 2012, maiden name: Wąsowicz)

1. Szczecińska M.*, Sawicki J., **Wąsowicz K.**, Hołdyński Cz. (2009) Genetic variation of the relict and endangered population of *Chamaedaphne calyculata* (Ericaceae) in Poland. *Dendrobiology*, 62: 23-33.
[IF=**0,344**; IF₅=**1,2**; MNiSW₂₀₀₉=**6**; MNiSW₂₀₂₄=**100**; number of citations by SCOPUS=**12**, wg WoS=**12**]
2. Korniak T.*, Hołdyński Cz., **Wąsowicz K.** (2009) Przemiany flory chwastów upraw wierzby w północno-wschodniej Polsce. *Pamiętnik Puławski*, 150: 159-170.
[IF-brak; MNiSW₂₀₀₉=**4**; MNiSW₂₀₂₄=**0**; number of citations – no data]
3. **Wąsowicz K.***, Szczecińska M., Sawicki J. (2010) Genetic relationships between four Polish *Lamium* species (*L. amplexicaule*, *L. incisum*, *L. moluccellifolium*, *L. purpureum*). *Čas. Slez. Muz. Opava (A)*, 59: 209-216.
[IF-brak; MNiSW₂₀₁₀=**2**; MNiSW₂₀₂₄=**0**; number of citations – n.d.]
4. **Wąsowicz K.***, Szczecińska M., Sawicki J. (2011) The reasons for low intrapopulation genetic variation in *Lamium incisum* Willd. *Čas. Slez. Muz. Opava (A)*, 60: 79-84.
[IF-brak; MNiSW₂₀₁₁=**3**; MNiSW₂₀₂₄=**0** number of citations – n.d.]
5. Korniak T.*, **Wąsowicz K.**, Kołodziej P. (2011) Występowanie *Heracleum sosnowskyi* Manden. wzdłuż dróg w północno-wschodniej Polsce. *Ekologia i Technika*, XIX(3A): 166-171.
[IF-brak; MNiSW₂₀₁₁=**2**; MNiSW₂₀₂₄=**0** number of citations – n.d.]
6. Korniak T.*, Hołdyński Cz., **Wąsowicz K.**, Święczkowska J. (2012) Amerykańskie gatunki z rodzaju *Solidago* w północno-wschodniej Polsce. *Zeszyty Naukowe UP Wrocław seria Rolnictwo*, 584: 81-88.
[IF-brak; MNiSW₂₀₁₂=**5**; MNiSW₂₀₂₄=**0**; number of citations – n.d.]
7. **Krawczyk K.***, Korniak T., Sawicki J. (2013) Taxonomic status of *Galeobdolon luteum* Huds. (Lamiaceae) from classical taxonomy and phylogenetics perspectives. *Acta Biologica Cracoviensia Series Botanica*, 55(2): 18-28.

[IF=0,662; IF₅=0,66; MNiSW₂₀₁₃=20; MNiSW₂₀₂₄=70; number of citations by SCOPUS=10, wg WoS=8]

8. **Krawczyk K.***, Sawicki J. (2013) The uneven rate of the molecular evolution of gene sequences of DNA-dependent RNA polymerase I of the genus *Lamium* L. *International Journal of Molecular Sciences*, 14(6): 11376-11391.

[IF=2,339; IF₅=2,5; MNiSW₂₀₁₃=30; MNiSW₂₀₂₄=140; number of citations by SCOPUS=19, wg WoS=17]

9. **Krawczyk K.***, Szczecińska M., Sawicki J. (2014) Evaluation of 11 single-locus and seven multi-locus DNA barcodes in *Lamium* L. (Lamiaceae). *Molecular Ecology Resources*, 14: 1-14.

[IF=3,712; IF₅=4,0; MNiSW₂₀₁₄=35; MNiSW₂₀₂₄=140; number of citations by SCOPUS=53, wg WoS=47]

b. After obtaining a doctoral degree

1. Szymczyk R.*, Zalewska A., Szydłowska J., **Krawczyk K.**, Kołodziej P., Stelmaszczyk M. (2014) Vascular plants of the upper part of the Grabianka river valley in the Elbląg Plateau Landscape Park. *Polish Journal of Natural Sciences*, 29(4): 337-358.

[IF=0,15; IF₅=0,14; MNiSW₂₀₁₄=8; MNiSW₂₀₂₄=40; number of citations by SCOPUS=0, wg WoS=0]

2. **Krawczyk K.***, Głowacka K. (2015) Nutlet micromorphology and its taxonomic utility in *Lamium* L. (Lamiaceae). *Plant Systematics and Evolution*, 301: 1863-1874.

[IF=1,4; IF₅=1,5; MNiSW₂₀₁₅=20; MNiSW₂₀₂₄=70; number of citations by SCOPUS=15, wg WoS=14]

3. Kulik K.*, Abarenkov K., Buśko M., Wołosz K., van Diepeningen A.D., Ostrowska-Kołodziejczak A., **Krawczyk K.**, Brankovics B., Stenglein S., Perkowski J., Sawicki J. (2017) ToxGen: an improved reference database for the identification of type B-trichothecene genotypes in *Fusarium*. *PeerJ*, 5: e2992.

[IF=2,1; IF₅=2,4; MNiSW₂₀₁₇=35; MNiSW₂₀₂₄=100; number of citations by SCOPUS=11, wg WoS=12]

4. Gomolińska A.M.*, Szczecińska M., Sawicki J., **Krawczyk K.**, Szkudlarz P. (2017) Phylogenetic analysis of selected representatives of the genus *Erica* based on the genes encoding the DNA-dependent RNA polymerase I. *Biodiversity: Research and Conservation*, 46: 1-18.

[IF- brak; MNiSW₂₀₁₇=13; MNiSW₂₀₂₄=20; number of citations – n.d.]

5. **Krawczyk K.***, Wiland-Szymańska J., Buczkowska-Chmielewska K., Drapikowska M., Maślak M., Myszczyński K., Szczecińska M., Ślipiko M., Sawicki J. (2018) The complete chloroplast genome of a rare orchid species *Liparis loeselii* (L.). *Conservation Genetic Resources*, 10: 305-308.

[IF=1,15; IF₅=1,2; MNI_{SW}₂₀₁₈=20; MNI_{SW}₂₀₂₄=40; number of citations by SCOPUS=9, wg WoS=8]

6. Nobis M.*, Gudkova P.D., Baiakhmetov E., Żabicka J., **Krawczyk K.**, Sawicki J. (2019) Hybridisation, introgression events and cryptic speciation in *Stipa* (Poaceae): a case study of the *Stipa heptapotamica* hybrid-complex. *Perspectives in Plant Ecology, Evolution and Systematics*, 39: 125457.

[IF=2,54; IF₅=3,0; MNI_{SW}₂₀₁₉=100; MNI_{SW}₂₀₂₄=100; number of citations by SCOPUS=26, wg WoS=27]

7. Mizia P., Myszczyński K., Ślipiko M., **Krawczyk K.**, Plášek V., Szczecińska M., Sawicki J.* (2019) Comparative plastomes analysis reveals the first infrageneric evolutionary hotspots of *Orthotrichum s.l.* (Orthotrichaceae, Bryophyta). *Turkish Journal of Botany*, 43: 444-457.

[IF=1,1; IF₅=1,1; MNI_{SW}₂₀₁₉=40; MNI_{SW}₂₀₂₄=40; number of citations by SCOPUS=10, wg WoS=10]

8. Sawicki J.*, Bączkiewicz A., Buczkowska A., Górski P., **Krawczyk K.**, Mizia P., Myszczyński K., Ślipiko M., Szczecińska M. (2020) The increase of simple sequence repeats during diversification of Marchantiales, an early land plant lineage, leads to the first known expansion of inverted repeats in the evolutionarily-stable structure of liverwort plastomes. *Genes*, 11: 299.

[IF=4,1; IF₅=4,3; MNI_{SW}₂₀₂₀=100; MNI_{SW}₂₀₂₄=100; number of citations by SCOPUS=16, wg WoS=16]

9. Sawicki J.*, **Krawczyk K.**, Ślipiko M., Szandar K., Szczecińska M. (2021) Comparative analysis of *Apowellia endiviifolia* plastomes reveals a strikingly high level of differentiation between its terrestrial and water form. *Diversity*, 13: 674.

[IF=3,0; IF₅=3,1; MEiN₂₀₂₁=70; MNI_{SW}₂₀₂₄=70; number of citations by SCOPUS=8, wg WoS=9]

10. Sawicki J.*, **Krawczyk K.**, Ślipiko M., Szczecińska M. (2021) Sequencing of organellar genomes of *Nowellia curvifolia* (Cephaloziaceae Jungermanniales) revealed the smallest plastome with complete gene set and high intraspecific variation suggesting cryptic speciation. *Diversity*, 13(2): 81.

[IF=3,0; IF₅=3,1; MEiN₂₀₂₁=70; MNI_{SW}₂₀₂₄=70; number of citations by SCOPUS=5, wg WoS=5]

11. Ciborowski K., Skierkowski B., Żukowska K., **Krawczyk K.**, Sawicki J.* (2022) Nanopore sequencing of chloroplast genome of *Scapania undulata* (L.) Dumort., 1835 (Scapaniaceae, Jungermanniales). *Mitochondrial DNA Part B*, 7(8): 1424-1426.

[IF=0,5; IF₅=0,5; MEiN₂₀₂₂=20; MNI_{SW}₂₀₂₄=20; number of citations by wg SCOPUS=5, wg WoS=4]

12. Szandar K.*, **Krawczyk K.**, Myszczyński K., Ślipiko M., Sawicki J., Szczecińska M. (2022) Breaking the limits—multichromosomal structure of an early eudicot *Pulsatilla patens*

mitogenome reveals extensive RNA-editing, longest repeats, and chloroplast-derived regions among sequenced land plant mitogenomes. *BMC Plant Biology*, 22(1): 1-15.

[IF=5,3; IF₅=5,3; MEiN₂₀₂₂=140; MNiSW₂₀₂₄=140; number of citations by SCOPUS=21, wg WoS=23]

13. Sawicki J.*, **Krawczyk K.**, Kurzyński M., Maździarz M., Pauksto Ł., Sulima P., Szczecińska M. (2023) Nanopore sequencing of organellar genomes revealed heteroplasmy in simple thalloid and leafy liverworts. *Acta Societatis Botanicorum Poloniae*, 92(1).

[IF=1,1; IF₅=1,0; MEiN₂₀₂₃=140; MNiSW₂₀₂₄=70; number of citations by SCOPUS=12, wg WoS=14]

14. Pauksto Ł.*, Górski P., **Krawczyk K.**, Maździarz M., Szczecińska M., Ślipiko M., Sawicki J. (2023) The organellar genomes of Pellidae (Marchantiophyta): the evidence of cryptic speciation, conflicting phylogenies and extraordinary reduction of mitogenomes in simple thalloid liverwort lineage. *Scientific Reports*, 13(1): 8303.

[IF=3,8; IF₅=4,0; MEiN₂₀₂₃=140; MNiSW₂₀₂₄=140; number of citations by SCOPUS=12, wg WoS=13]

15. Szandar K., Sawicki J.*, Pauksto Ł., **Krawczyk K.**, Szczecińska M. (2023) Are the organellar genomes useful for fine scale population structure analysis of endangered plants? A case study of *Pulsatilla patens* (L.) Mill. *Genes*, 14(1): 67.

[IF=2,8; IF₅=3,9; MEiN₂₀₂₃=100; MNiSW₂₀₂₄=100; number of citations by SCOPUS=4, wg WoS=3]

16. Rolbiecki D., Pauksto Ł., **Krawczyk K.**, Korzeniewska E., Sawicki J., Harnisz M.* (2023) Chlorine disinfection modifies the microbiome, resistome and mobilome of hospital wastewater – a nanopore long-read metagenomic approach. *Journal of Hazardous Materials*, 459: 132298.

[IF=12,2; IF₅=12,4; MEiN₂₀₂₃=200; MNiSW₂₀₂₄=200; number of citations by SCOPUS=20, wg WoS=16]

17. Majewska M.*, Maździarz M., **Krawczyk K.**, Pauksto Ł., Makowczenko K.G., Lepiarczyk E., Gromadziński L. (2024) SARS-CoV-2 disrupts host gene networks: Unveiling key hub genes as potential therapeutic targets for COVID-19 management. *Computers in Biology and Medicine*, 183, 109343.

[IF=6,3; IF₅=6,5; MNiSW₂₀₂₄=100; number of citations by SCOPUS=3, wg WoS=0]

18. Maździarz M., **Krawczyk K.**, Kurzyński M., Pauksto Ł., Szablińska-Piernik J., Szczecińska M., Sawicki J.* (2024) Epitranscriptome insights into *Riccia fluitans* L. (Marchantiophyta) aquatic transition using nanopore direct RNA sequencing. *BMC Plant Biology*, 24(1): 399.

[IF=4,8; IF₅=5,4; MNiSW₂₀₂₄=140; number of citations by SCOPUS=4, wg WoS=4]

19. Sawicki J.*, **Krawczyk K.**, Pauksto Ł., Maździarz M., Kurzyński M., Szablińska-Piernik J., Szczecińska M. (2024) Nanopore sequencing technology as an emerging tool for diversity studies of plant organellar genomes. *Diversity*, 16(3): 173.
[IF=2,1; IF₅=2,3; MNiSW₂₀₂₄=70; number of citations by SCOPUS=8, wg WoS=7]
20. Rolbiecki D., Pauksto Ł., **Krawczyk K.**, Korzeniewska E., Sawicki J., Harnisz M.* (2024) Genomic and metagenomic analysis reveals shared resistance genes and mobile genetic elements in *E. coli* and *Klebsiella* spp. isolated from hospital patients and hospital wastewater at intra-and inter-genus level. *International Journal of Hygiene and Environmental Health*, 261: 114423.
[IF=4,4; IF₅=4,9; MNiSW₂₀₂₄=140; number of citations by SCOPUS=7, wg WoS=4]
21. Levins J., Pauksto Ł., **Krawczyk K.**, Maździarz M., Arch B.C., Cargill D.C., Bowman J.L.* (2025) Evolution of sexual systems and regressive evolution in *Riccia*. *New Phytologist*, 246(2): 769-784.
[IF=8,1; IF₅=10,3; MNiSW₂₀₂₄=140; number of citations by SCOPUS=6, wg WoS=6]
22. Kulik T.*, Staniszewska P., Wiśniewski P., Treder Z., Przybylski M., Wrońska E., Maździarz M., **Krawczyk K.**, Bilka K., Pauksto Ł., Olszewski J. (2025) In-depth comparison of commercial Trichoderma-based products: integrative approaches to quantitative analysis, taxonomy and efficacy. *Frontiers in Microbiology*, 16.
[IF=4,5; IF₅=5,2; MNiSW₂₀₂₄=100; number of citations by SCOPUS=5, wg WoS=5]
23. Wiśniewski P., Maździarz M., Sawicki J., & **Krawczyk K.*** (2025). Taxonomic and functional differentiation of soil and thallus microbiomes in *Riccia sorocarpa*. *Biologia*, 1-12.
[IF=1,6; IF₅=1,6; MNiSW₂₀₂₄=40; number of citations by SCOPUS=0, wg WoS=0]
24. **Krawczyk K.***, Szablińska-Piernik J.*, Pauksto Ł., Maździarz M., Sulima P., Przyborowski J.A., Szczecińska M., Sawicki J. (2025) Chromosome-scale telomere to telomere genome assembly of common crystalwort (*Riccia sorocarpa* Bisch.). *Scientific Data*, 12: 77.
[IF=6,9; IF₅=6,9; MNiSW₂₀₂₄=140; number of citations by SCOPUS=5, WoS=6]
25. Maździarz M.*, **Krawczyk K.**, Szablińska-Piernik J., Pauksto Ł., Szczecińska M., Sulima P. & Sawicki J. (2025). Epitranscriptomic and expression profiling in *Riccia fluitans* across diverse environmental conditions. *Computational and Structural Biotechnology Journal*, 27: 4232-4245.
[IF=4,1; IF₅=5,2; MNiSW₂₀₂₄=100; number of citations by SCOPUS=1, wg WoS=1]
26. Maździarz M., Krawczyk K., Lepiarczyk E., Pauksto Ł., Makowczenko K., Moczulska B., Iwanowicz P., Kocbach P., Nosek K., Sawicki J., Gromadziński L. & Majewska M. (2025) Poly(A) tail dynamics, non-adenine incorporation and alternative polyadenylation shape the host transcriptome in COVID-19 pathogenesis. *Scientific Reports* 15: 37986.
[IF=3,9; IF₅=4,3; MNiSW₂₀₂₄=140; number of citations by SCOPUS=0, wg WoS=0]

27. Maździarz M., Krawczyk K., Lepiarczyk E., Pauksto Ł., Sawicki J., & Majewska M. (2026). Epitranscriptomic signatures of m5C, m6A, and pseudouridine in COVID-19 reveal host RNA modifications involved in viral pathogenesis. *Microbiology Spectrum*, e02561-25.
[IF=3,8; IF₅=4,7; MNiSW₂₀₂₄=100; number of citations by SCOPUS=0, wg WoS=0]
28. Maździarz M., Krawczyk K., Sulima P. & Sawicki J. (2026) 6 mA methylation differences in *Riccia fluitans* organellar genomes under flood stress. *Plant Cell Reports* 45: 90.
[IF=4,5; IF₅=6,1; MNiSW₂₀₂₄=100; number of citations by SCOPUS=0, wg WoS=0]

Including works constituting a habilitation achievement:

29. **Krawczyk K.***, Nobis M., Nowak A., Szczecińska M., Sawicki J. (2017) Phylogenetic implications of nuclear rRNA IGS variation in *Stipa* L. (Poaceae). *Scientific Reports*, 7(1): 11506.
[IF=4,12; IF₅=4,45; MNiSW₂₀₁₇=40; MNiSW₂₀₂₄=140; number of citations by SCOPUS=32, WoS=28]
30. **Krawczyk K.***, Nobis M., Myszczyński K., Klichowska E., Sawicki J. (2018) Plastid superbarcodes as a tool for species discrimination in feather grasses (Poaceae: *Stipa*). *Scientific Reports*. 8(1): 1924.
[IF=4,0; IF₅=4,2 ; MNiSW₂₀₁₈=40; MNiSW₂₀₂₄=140; number of citations by SCOPUS=80, WoS=77]
31. **Krawczyk K.***, Myszczyński K., Nobis M., Sawicki J. (2022) Insights into adaptive evolution of plastomes in *Stipa* L. (Poaceae). *BMC Plant Biology*, 22(1): 1-16.
[IF=5,3; IF₅=5,1; MEiN₂₀₂₂=140; MNiSW₂₀₂₄=140; number of citations by SCOPUS=13, WoS=12]
32. **Krawczyk K.***, Pauksto Ł., Maździarz M., Sawicki J. (2023) The low level of plastome differentiation observed in some lineages of Poales hinders molecular species identification. *Frontiers in Plant Science*, 14.
[IF=4,1; IF₅=4,0; MEiN₂₀₂₃=140; MNiSW₂₀₂₄=100; number of citations by SCOPUS=7, WoS=8]
33. **Krawczyk K.***, Maździarz M., Pauksto Ł., Nobis M.*, Sawicki J. (2025) Phylogenetic reconstruction and species delimitation in Stipeae with special reference to *Stipa* (Poaceae, Pooideae) using mitochondrial genomes. *Cladistics*, 1-14.
[IF=6,2; IF₅=6,2; MNiSW₂₀₂₄=140; number of citations by SCOPUS=1, WoS=1]
34. Klubowicz K., Sawicki J., Pauksto Ł., Ciborowski K., Maździarz M., **Krawczyk K.*** (2024) Organellar genome evolution in *Ribes* L.: hotspots of mutation, sequence transfer, codon usage, and phylogenetic context. *Tree Genetics & Genomes*, 20(6): 1-14.
[IF=1,6; IF₅=1,7; MNiSW₂₀₂₄=70; number of citations by SCOPUS=2, WoS=2]

35. Maździarz M, **Krawczyk K.*** (2026) Transgenomes: Automated detection and characterization of mitochondrial-plastid DNA transfers. *Journal of Plant Research* DOI: 10.1007/s10265-026-01709-0

[IF=2,7; IF₅=2,9; MNiSW₂₀₂₄=100; number of citations by SCOPUS=0, WoS=0]

2. Co-authorship of scientific monographs

a. Before obtaining the doctoral degree, (until August, 2012, maiden name: Wąsowicz)

1. Hołdyński Cz., **Wąsowicz K.** 2010. Borealna świerczyna bagienna. [W:] Hołdyński Cz., Krupa J. (red.). Siedliska i gatunki Natura 2000. Raport z inwentaryzacji przyrodniczej przeprowadzonej w lasach regionalnej Dyrekcji Lasów Państwowych w Olsztynie i części Regionalnej Dyrekcji Lasów Państwowych w Białymstoku w latach 2006-2008. Wydaw. MANTIS, Olsztyn, s. 54-58. ISBN 978-83-929997-4-4
2. Hołdyński Cz., **Wąsowicz K.** 2010. Świetlista dąbrowa. [W:] Hołdyński Cz., Krupa J. (red.). Siedliska i gatunki Natura 2000. Raport z inwentaryzacji przyrodniczej przeprowadzonej w lasach regionalnej Dyrekcji Lasów Państwowych w Olsztynie i części Regionalnej Dyrekcji Lasów Państwowych w Białymstoku w latach 2006-2008. Wydaw. MANTIS, Olsztyn, s. 84-87. ISBN 978-83-929997-4-4
3. Hołdyński Cz., Kołodziej P., **Wąsowicz K.** 2009. Niecka Skaliska. [W:] Hołdyński Cz., Krupa M. (red.). Obszary Natura 2000 w województwie warmińsko-mazurskim. Wydaw. MANTIS, Olsztyn, s. 192-195. ISBN 978-83-929997-2-0
[MNiSW=3]
4. Jutrzenka-Trzebiatowski A., Hołdyński Cz. (red.) Dynowski P., Dziedzic J., Hołdyński Cz., Jutrzenka-Trzebiatowski A., Kołodziej P., Korniak T., Loro P., Pisarek W., Szarejko T., **Wąsowicz K.** 2007. Rośliny naczyniowe Parku Krajobrazowego Wzgórz Dylewskich. UWM w Olsztynie, Olsztyn, 159 s. ISBN 978-83-926486-4-2
5. Fenyk M. A., Korniak T. (red.) Kuszewska K., Środa M., Kucewicz M., **Krawczyk K.**, Kołodziej P. Rozpoznawanie roślin na potrzeby waloryzacji przyrodniczych. Podręcznik metodyczny. Olsztyn 2013.

1. List of speeches at national or international scientific or artistic conferences, with specification of invited lectures and plenary lectures.

a. Before obtaining the doctoral degree

1. Szymczyk R., Dzięcioł A., **Wąsowicz K.** 2007. Uwagi o porostach Narwi w okolicach Nowego Dworu Mazowieckiego. Materiały Międzynarodowego Seminarium Kół Naukowych, Olsztyn 10-11 maja 2007: 92-93.
2. Kołodziej P., **Wąsowicz K.**, Wojtaszek A., Brzeska M., Liberacka M. 2007. Flora ruderalna Widryn (Pojezierze Mrągowskie). Materiały Międzynarodowego Seminarium Kół Naukowych, Olsztyn 10-11 maja 2007: 99-100.

3. Kołodziej P., **Wąsowicz K.**, Wojtaszek A., Brzeska M., Liberacka M. 2007. Flora ruderalna Widryn (Pojezierze Mrągowskie). Materiały Międzynarodowego Seminarium Kół Naukowych, Olsztyn 10-11 maja 2007: 99-100.
4. Kołodziej P., **Wąsowicz K.**, Wojtaszek A., Brzeska M., Liberacka M. 2007. Flora ruderalna Widryn (Pojezierze Mrągowskie). Materiały Międzynarodowego Seminarium Kół Naukowych, Olsztyn 10-11 maja 2007: 99-100.
5. **Wąsowicz K.**, Dzieciol A., Wojtaszek A., Kołodziej P., Szymczyk R. 2007. Inwentaryzacja stanowisk roślin inwazyjnych w północnej części Wigierskiego Parku Narodowego. Materiały XI Ogólnopolskiego Przeglądu Działalności Studenckich Kół Naukowych Przyrodników, Białystok 16-18.11.2007r., Uniwersytet w Białymstoku
6. **Wąsowicz K.**, Dzieciol A., Wojtaszek A., Kołodziej P., 2008. Rośliny inwazyjne w północnej części Wigierskiego Parku Narodowego. Materiały XXXVII Międzynarodowego Seminarium Kół Naukowych, Olsztyn, 9-10 maja 2008: 102-103
7. Korniak T., **Wąsowicz K.**, Kołodziej P. 2010. Referat: „Występowanie *Heracleum sosnowskyi* Manden. wzdłuż dróg w północno-wschodniej Polsce”. XXXIV Krajowa Konferencja Naukowa z cyklu „Rejonizacja chwastów segetalnych w Polsce”. Bydgoszcz-Fordon 2-3 września 2010 r.
8. Hołdyński Cz., Kołodziej P., **Wąsowicz K.** 2010. Referat: „Struktura biologiczna i przestrzenna populacji *Agrimonia pilosa* Ledeb. wzdłuż szlaków komunikacyjnych”. XXXIV Krajowa Konferencja Naukowa z cyklu „Rejonizacja chwastów segetalnych w Polsce”. Bydgoszcz-Fordon 2-3 września 2010 r.
9. Korniak T., **Wąsowicz K.**, Hołdyński Cz., Świączkowska J. „Rodzaj *Solidago* w północno-wschodniej Polsce”. XXXV Krajowa Konferencja Naukowa z cyklu „Rejonizacja chwastów segetalnych” pt. „Biologia i występowanie *Solidago* sp. w zbiorowiskach roślinnych na odłogach” 6-8 września 2011 Wrocław-Winna Góra
10. Szczecińska M., Sawicki J., **Wąsowicz K.**, Milewicz M., Hołdyński Cz., 2012. Population structure and genetic diversity of *Pulsatilla patens* in Poland. International Conference Molecular Ecology, Vienna, Austria 4-7 February 2012
11. Sawicki J., Szczecińska M., Pisarek W., Milewicz M., **Wąsowicz K.** 2012. Haplotype Variation in the European Populations of *Galium trifidum* (*Rubiaceae*). International Conference Molecular Ecology, Vienna, Austria 4-7 February 2012
12. **Wąsowicz K.**, Milewicz M., Szczecińska M., Sawicki J., Szkudlarz P. 2012. Phylogenetic relationships within the African representatives of the genus *Erica* (*Ericaceae*). International Conference Molecular Ecology, Vienna, Austria 4-7 February 2012
13. **Krawczyk K.**, Sawicki J. 2013. Ocena informatywności filogenetycznej genów *rpo* na przykładzie rodzaju *Lamium* L. 56. Zjazd Polskiego Towarzystwa Botanicznego Olsztyn, 24-30 czerwca 2013

b. After obtaining a doctoral degree

14. **Krawczyk K.**, Sawicki J., Pauksto Ł. Czy niski poziom zróżnicowania plastomów obserwowany w obrębie rodzaju ostnica (*Stipa* L.) jest regułą czy wyjątkiem u Poales? 59. Zjazd Polskiego Towarzystwa Botanicznego, Warszawa, 26.06. - 03.07. 2022 – **oral presentation.**

15. **Krawczyk K.**, Paukszto L., Sawicki J. Long-read nanopore sequencing to determine the nuclear genome of amphibious liverwort *Riccia fluitans* (Ricciaceae). London Calling 17-19.05.2023 – **poster**.
16. Harnisz M., Rolbiecki D., Paukszto L., Krawczyk K., Korzeniewska E., Sawicki J. Structure of bacterial community in hospital wastewater. Innovative Food of High Quality for Human Health and Sustainability, Uniwersytet Warmińsko-Mazurski w Olsztynie, 7-8.09.2023 – **poster**.
17. **Krawczyk K.** On the molecular evolution of feather grasses (*Stipa* L., Stipeae; Poaceae) - why defining a good genetic marker for this group is such a challenge? 10th Polish evolutionary conference 11-13.09.2024 Białystok – **oral presentation**.

4. List of participation in works of research teams implementing projects financed by way of national or international competitions, with division into completed projects and projects in the course of performance and with taking into account the information on the function performed within the framework of works of the teams.

4.1 Managed projects

1. “The phylogeny of the genus *Lamium* L.” – project financed by the National Science Centre PRELUDIUM 2011/01/N/NZ8/02208. Implementation in 2011-2013. Project carried out at the University of Warmia and Mazury in Olsztyn.

4.2 Participation in projects implemented by units other than the University of Warmia and Mazury in Olsztyn

1. “Taxonomy and microevolution of the feather grasses (Poaceae: *Stipa*)” – project no. 2013/09/B/NZ8/03287 funded by the National Science Centre. Project manager: prof. dr hab. Marcin Nobis, **Jagiellonian University**.

2. “Evolution and spatial genetic differentiation of feather grasses of the Central-Western Asian steppe biome in relation to Quaternary climatic oscillations” – project no. 2023/51/B/NZ8/01179, funded by the National Science Centre. Principal Investigator: Prof. Marcin Nobis, **Jagiellonian University**.

4.3 Participation in projects implemented by the University of Warmia and Mazury in Olsztyn

1. “The role of epigenetic processes in the adaptation of early land plants to the terrestrial environment” – project no. 2020/39/B/NZ8/02504, funded by the National Science Centre. Principal Investigator: Prof. Jakub Sawicki.

2. “Reserve antibiotics and critical priority pathogens in hospital wastewater as indicator of sanitary–epidemiological risk” – project no. 2022/45/B/NZ7/00793, funded by the National Science Centre. Principal Investigator: Prof. Ewa Korzeniewska.

3. “Alternative splicing as an adaptive mechanism in early land plants” – project no. 2023/07/X/NZ8/01263, funded by the National Science Centre. Principal Investigator: dr Łukasz Paukszto.

5. List of membership in international or national organizations and scientific societies, together with information on the functions performed.

1. Membership in the Polish Botanical Society from 2016 to 2025 – member of the Plant Taxonomy Section and the Geobotany Section. Treasurer from 2019 to 2022, and secretary of the Olsztyn Branch of the Polish Botanical Society from 2022 to 2025.

2. Membership in The American Society of Plant Taxonomists 2020-2023.

6. List of internships at scientific or artistic institutions, including foreign ones, with specifying the place, date, duration of the internship and its nature.

1. Research internship in the research team of prof. dr hab. Marcin Nobis, Institute of Botany, Jagiellonian University, Kraków, Poland – September 18–30, 2023

2. Research internship in the research team of Dr. Sanna Huttunen, Laboratory of Genetics, Department of Biology, University of Turku, Finland – May 16–29, 2011

3. Research internship at the Genetics Laboratory, Department of Plant Taxonomy and Nature Conservation, University of Gdańsk, Poland – September 6–18, 2010

7. List of membership in editorial committees and scientific councils of journals, along with information on the functions performed (e.g. editor-in-chief, chairman of the scientific council, etc.).

Term of office: 2023-2025 and 2026-2028. Editor of the journal *Acta Societatis Botanicorum Poloniae* in the Taxonomy and Phylogenetics section.

8. List of peer-reviewed scientific or artistic works, particularly those published in international journals.

In the years 2016-2025, I conducted 27 manuscript reviews at the invitation of editorial offices of international journals:

- **2016** – “An assessment of plant DNA barcodes for identifying Lamiaceae in Korea” – **Journal of Plant Research**
- **2017** – “Potential DNA barcodes for *Melilotus* species based on five single loci and their combinations” – **PLOS One**
- **2019** – “The complete chloroplast genome of *Dendrobium nobile*, an endangered medicinal orchid from Northeast India and its comparison with related chloroplast genomes of *Dendrobium* species” – **PeerJ**

- **2019** – “Testing and using complete plastomes and ribosomal DNA sequences as the next generation DNA barcodes in *Panax* (Araliaceae)” – **Molecular Ecology Resources**
- **2019** – Genomic DNA barcodes provide novel insights into species delimitation in the complex *Camellia* sect. *Thea* (Theaceae) – **BMC Plant Biology**
- **2020** – “Phylogenetic and Comparative Analyses of Complete Chloroplast Genomes of Chinese *Viburnum* and *Sambucus* (Adoxaceae)” – **Plants**
- **2020** – “Molecular barcode and morphological analysis of the medicinal plant *Smilax purhampuy* Ruiz collected in Ecuador” – **PeerJ**
- **2021** – “Testing genome skimming for species discrimination in the large and taxonomically difficult genus *Rhododendron*” – **Molecular Ecology Resources**
- **2021** – “Comparative chloroplast genome analysis of wax gourd (*Benincasa hispida*) with three Benincaseae species, revealing evolutionary dynamic patterns and phylogenetic implications” – **Genes**
- **2022** – “Comparative analysis and phylogenetic relationships of *Ceriops* species (Rhizophoraceae) and *Avicennia lanata* (Acanthaceae): insight into the chloroplast genome evolution between middle and seaward zones of mangrove forests” – **Biology**
- **2022** – “DNA barcoding of *Cymbidium* by genome skimming: call for next-generation nuclear barcodes” – **Molecular Ecology Resources**
- **2022** – “Identification of *Laportea bulbifera* using the Complete Chloroplast Genome as a SuperBarcode” – **Journal of Applied Genetics**
- **2022** – “CcMYB12 positively regulated flavonoid accumulation during fruit development in *Carya cathayensis* as well as their roles in abiotic stress responses” – **International Journal of Molecular Sciences**
- **2023** – “Plastid Genome Assembly Using Long-read data (ptGAUL)” – **Molecular Ecology Resources**
- **2023** – “The First Complete Chloroplast Genome of *Cordia monoica*: Structure and Comparative Analysis” – **Genes**
- **2023** – Towards the investigation of the adaptive divergence in a species of exceptional ecological plasticity: chromosome-scale genome assembly of *Chouardia litardierei* (Hyacinthaceae) – **International Journal of Molecular Sciences**
- **2023** – Comparative and Phylogenetic Analysis of Complete Chloroplast Genome Sequences of *Salvia* Regarding its Worldwide Distribution” – **Scientific Reports**
- **2023** – “Codon Usage Bias in Chloroplast Genes Implicate Adaptive Evolution of Four Ginger Species” – **International Journal of Molecular Sciences**
- **2023** – “Accelerating moss identification through development of specific DNA barcodes based on the whole chloroplast genome” – **Molecular Ecology Resources**
- **2023** – “Potato microbiome: relationship with environment factors and approaches for microbiome modulation” – **International Journal of Molecular Sciences**
- **2024** – “Opening new doors for plant species identification” – **Molecular Ecology Resources**
- **2024** – “Two asymmetric IR regions in the chloroplast genome of the *Huperzia* genus are driven by the transfer of information between the chloroplast and nuclear genomes” – **BMC Plant Biology**

- **2024** – "The complete chloroplast genome sequences of three *Pedicularis species* (Orobanchaceae)" – **Genetics and Molecular Biology**
- **2024** – "Species discrimination in *Pedicularis* (Orobanchaceae) based on the chloroplast genome" – **Molecular Ecology Resources**
- **2024** – "The genome sequence of barren brome, *Bromus sterilis* L. (Poaceae)" – **Scientific Data**
- **2025** – "Complete chloroplast genome of two *Brachycorythis* (Orchidaceae) species from China: comparative analysis and phylogenetic implications" – **BMC Genomics**
- **2025** – "Genomic DNA barcodes provide novel insights into species delimitation in the complex *Camellia* sect. *Thea* (Theaceae)" – **BMC Plant Biology**

III. SCIENTOMETRIC DATA

Given as of April 7, 2026.

Hirsch index according to SCOPUS database: 12

Hirsch index according to Web of Science database: 12

	Total number of publications	Total IF value	Total value IF ₅	Total value of the MNiSW/MEiN score from the year of publication	Total score of the MNiSW2024
Before obtaining a doctoral degree					
scientific article with IF	4	6,96	8,36	91	450
scientific article without IF	5	-	-	14	0
chapter (fragment) in a scientific monograph	5	-	-	3	0
Total	14	6,96	8,36	108	450
After obtaining a doctoral degree					
scientific article with IF	34	131,74	158,43	2473	3440
scientific article without IF	1	-	-	13	20
chapter (fragment) in a scientific monograph	0	-	-	0	0
Total	35	131,74	158,43	2486	3460
Total	49	138,70	166,79	2594	3910

	Total number of publications with IF	Total SCOPUS citations	Total number of citations WoS
Before obtaining a doctoral degree	4	94	84
After obtaining a doctoral degree	34	348	347
Total	38	442	431

Katarzyna Krawczyk
.....
(Applicant's signature)